

0280

OIPE

 \geq

RAW SEQUENCE LISTING
PATENT APPLICATION: US/10/015,637

DATE: 12/31/2001
TIME: 12:50:07

Input Set : A:\Arc5.ST25.txt

```
3 <110> APPLICANT: Wang, Qi
                                                                     ENTERED
             Dubois, Patrice
      5
              Liang, Jihong
             Oulmassov, Tim
      8 <120> TITLE OF INVENTION: Arcelin-5 Promoter and Uses Thereof
     10 <130> FILE REFERENCE: 13587.106
C--> 12 <140> CURRENT APPLICATION NUMBER: US/10/015,637
C--> 12 <141> CURRENT FILING DATE: 2001-12-17
    12 <150> PRIOR APPLICATION NUMBER: US 60/255879
    14 <151> PRIOR FILING DATE: 2000-12-18
    16 <160> NUMBER OF SEQ ID NOS: 14
    18 <170> SOFTWARE: PatentIn version 3.1
    20 <210> SEQ ID NO: 1
    22 <211> LENGTH: 1148
    23 <212> TYPE: DNA
    24 <213> ORGANISM: Phaseolus vulgaris
    26 <400> SEQUENCE: 1
    27 taggateett caatagaaaa tgtgttattt eeteateace agacaaaggg geaacagtta
                                                                              60
    29 acaaaacaaa tttatgtttc atttgagatt aaggaaggta aggaagaaaa aagattaaaa
                                                                             120
    31 aaaatgtcct tatctctttg tttctgtaat aataatataa gagacttaaa cttttaatat
                                                                             180
    33 aataattgta attaggtttt ctagtcatga gcaccactca gagacaagat ttcaagaaaa
                                                                             240
    35 caattttgtt aaacatctta ttagaaactt ttagttaagt cttgaagtta gaattaaaca
                                                                             300
    37 aaaaaaatta cacacgagaa acacaataaa cccactaccg tcaggttatc ataaggatga
    39 aatgttttga tatcattaaa tataacacac acaaaaatac atctaattat aacaatatat
    41 gttatacata tatttttgta aaaacttaga gtttttcaaa acattctaat acatgattag
    43 agtttataga aatacaaata tttaaaaaaat ataattttaa aaaaacattc taaagtcatt
    45 cagatectet caeacetgtg tgateattta gteatgtatg tagtacaate attgtagtte
    47 acaacagagt aaaataaata aggataaact agggaatata tataatatat acaattaaat
    49 aaaaaaggga aaatcaaatt agaatttttg attccccaca tgacacaact caccatgcac
                                                                             720
    51 gctgccacct cagctccctc ctctccacac atgtctcatg tcactttcga ctttggcttt
                                                                             780
    53 ttcactatga cacaactcgc catgcatgtt gccacgtgag ctccttcctc ttcccatgat
                                                                             840
    55 gacaccactg ggcatgcatg ctgccacctc agctcccacc tcttctcatt atgagcctac
                                                                             900
    57 tggccatgca cactgccacc tcagcactcc tctcacttcc cattgctacc tgccaaaccg
                                                                             960
    59 cttctctcca taaatatcta tttaaattta aactaattat ttcatatact tttttgatga
                                                                            1020
    61 cgtggatgca ttgccatcgt tgtttaataa ttgttaattt ggagttgaat aataaaatga
                                                                            1080
    63 aagaaaaag ttggaaagat tttgcatttg ttgttgtata aatagagaag agagtgatgg
                                                                            1140
    65 ttaatgca
                                                                            1148
    68 <210> SEQ ID NO: 2
    70 <211> LENGTH: 1122
    71 <212> TYPE: DNA
    72 <213> ORGANISM: Phaseolus vulgaris
    74 <400> SEQUENCE: 2
    75 ggatccttca atagaaaatg tgttatttcc tcatcaccag acaaaggggc aacagttaac
                                                                              60
    77 aaaacaaatt tatgtttcat ttgagattaa ggaaggtaag gaagaaaaaa gattaaaaaa
                                                                             120
    79 aatgteetta tetettigtt tetgtaataa taatataaga gaettaaaet titaatataa
                                                                             180
    81 taattgtaat taggttttct agtcatgagc accactcaga gacaagattt caagaaaaca
                                                                             240
    83 attttgttaa acatcttatt agaaactttt agttaagtct tgaagttaga attaaacaaa
                                                                             300
```

Input Set : A:\Arc5.ST25.txt

85 aaaaattaca cacgagaaac acaataaacc cactaccgtc aggttatcat aaggatgaaa 87 tgttttgata tcattaaata taacacacac aaaaatacat ctaattataa caatatatgt	
87 tqttttqata tcattaaata taacacacac aaaaatacat ctaattataa caatatatgt	360
	420
89 tatacatata tttttgtaaa aacttagagt ttttcaaaac attctaatac atgattagag	480
91 tttatagaaa tacaaatatt taaaaaaatat aattttaaaa aaacattcta aagtcattca	540
93 gatcctctca cacctgtgtg atcatttagt catgtatgta gtacaatcat tgtagttcac	600
95 aacagagtaa aataaataag gataaactag ggaatatata taatatatac aattaaataa	660
97 aaaagggaaa atcaaattag aatttttgat tccccacatg acacaactca ccatgcacgc	720
99 tgccacctca gctccctcct ctccacacat gtctcatgtc actttcgact ttggcttttt	780
101 cactatgaca caactogoca tgcatgttgc cacgtgagct cottoctott cocatgatga	840
103 caccactggg catgcatgct gccacctcag ctcccacctc ttctcattat gagcctactg	900
105 gccatgcaca ctgccacctc agcactcctc tcacttccca ttgctacctg ccaaaccgct	960
107 tctctccata aatatctatt taaatttaaa ctaattattt catatacttt tttgatgacg	1020
109 tggatgcatt gccatcgttg tttaataatt gttaatttgg agttgaataa taaaatgaaa	1080
111 gaaaaaagtt ggaaagattt tgcatttgtt gttgtataaa ta	1122
114 <210> SEQ ID NO: 3	
116 <211> LENGTH: 76	
117 <212> TYPE: DNA	•
118 <213> ORGANISM: Glycine max	
120 <400> SEQUENCE: 3	6.0
121 acacagaaac attcgcaaaa acaaaatccc agtatcaaaa ttcttctctt tttttcatat	60
123 ttcgaaagat ttaaaa 126 <210> SEQ ID NO: 4	76
120 \210 SEQ 1D NO: 4 127 \<211> LENGTH: 91	
127 <2117 LENGTH: 91 128 <212> TYPE: DNA	
120 <212> IFFE: DNA 129 <213> ORGANISM: Petunia sp.	
131 <400> SEQUENCE: 4	
132 aacagaaaaa tttgctacat tgtttcacaa acttcaaata ttattcattt atttgtcagc	C 0
134 ELECABACEC ELEGIFICIT GITTGITGAT I	60 91
134 tttcaaactc tttgtttctt gtttgttgat t 137 <210> SEO ID NO: 5	91
137 <210> SEQ ID NO: 5	
137 <210> SEQ ID NO: 5 139 <211> LENGTH: 15 140 <212> TYPE: DNA	
137 <210> SEQ ID NO: 5 139 <211> LENGTH: 15	
137 <210> SEQ ID NO: 5 139 <211> LENGTH: 15 140 <212> TYPE: DNA 141 <213> ORGANISM: Glycine sp. 143 <400> SEQUENCE: 5	
137 <210> SEQ ID NO: 5 139 <211> LENGTH: 15 140 <212> TYPE: DNA 141 <213> ORGANISM: Glycine sp.	91
137 <210> SEQ ID NO: 5 139 <211> LENGTH: 15 140 <212> TYPE: DNA 141 <213> ORGANISM: Glycine sp. 143 <400> SEQUENCE: 5 144 ctaagaagaa gaacc	91
137 <210> SEQ ID NO: 5 139 <211> LENGTH: 15 140 <212> TYPE: DNA 141 <213> ORGANISM: Glycine sp. 143 <400> SEQUENCE: 5 144 ctaagaagaa gaacc 147 <210> SEQ ID NO: 6 149 <211> LENGTH: 1123 150 <212> TYPE: DNA	91
137 <210> SEQ ID NO: 5 139 <211> LENGTH: 15 140 <212> TYPE: DNA 141 <213> ORGANISM: Glycine sp. 143 <400> SEQUENCE: 5 144 ctaagaagaa gaacc 147 <210> SEQ ID NO: 6 149 <211> LENGTH: 1123	91
137 <210> SEQ ID NO: 5 139 <211> LENGTH: 15 140 <212> TYPE: DNA 141 <213> ORGANISM: Glycine sp. 143 <400> SEQUENCE: 5 144 ctaagaagaa gaacc 147 <210> SEQ ID NO: 6 149 <211> LENGTH: 1123 150 <212> TYPE: DNA 151 <213> ORGANISM: Glycine sp. 153 <400> SEQUENCE: 6	91
137 <210> SEQ ID NO: 5 139 <211> LENGTH: 15 140 <212> TYPE: DNA 141 <213> ORGANISM: Glycine sp. 143 <400> SEQUENCE: 5 144 ctaagaagaa gaacc 147 <210> SEQ ID NO: 6 149 <211> LENGTH: 1123 150 <212> TYPE: DNA 151 <213> ORGANISM: Glycine sp. 153 <400> SEQUENCE: 6 154 tgagggcatg cacgcacggc ctcggagggg aaccagaaaa ttatgttaac aaaataatct	91
137 <210> SEQ ID NO: 5 139 <211> LENGTH: 15 140 <212> TYPE: DNA 141 <213> ORGANISM: Glycine sp. 143 <400> SEQUENCE: 5 144 ctaagaagaa gaacc 147 <210> SEQ ID NO: 6 149 <211> LENGTH: 1123 150 <212> TYPE: DNA 151 <213> ORGANISM: Glycine sp. 153 <400> SEQUENCE: 6 154 tgagggcatg cacgcacggc ctcggagggg aaccagaaaa ttatgttaac aaaataatct 156 ggaaccctaa tgtatcagtg tcatcatcag tgtgtagttt aagctagctt tgctatggtt	91 15
137 <210> SEQ ID NO: 5 139 <211> LENGTH: 15 140 <212> TYPE: DNA 141 <213> ORGANISM: Glycine sp. 143 <400> SEQUENCE: 5 144 ctaagaagaa gaacc 147 <210> SEQ ID NO: 6 149 <211> LENGTH: 1123 150 <212> TYPE: DNA 151 <213> ORGANISM: Glycine sp. 153 <400> SEQUENCE: 6 154 tgagggcatg cacgcacggc ctcggagggg aaccagaaaa ttatgttaac aaaataatct 156 ggaaccctaa tgtatcagtg tcatcatcag tgtgtagttt aagctagctt tgctatggtt 158 acgttctctg agatgagagt cttgatgaac agtgccattc tgatgtattg ctttccttga	91 15
137 <210> SEQ ID NO: 5 139 <211> LENGTH: 15 140 <212> TYPE: DNA 141 <213> ORGANISM: Glycine sp. 143 <400> SEQUENCE: 5 144 ctaagaagaa gaacc 147 <210> SEQ ID NO: 6 149 <211> LENGTH: 1123 150 <212> TYPE: DNA 151 <213> ORGANISM: Glycine sp. 153 <400> SEQUENCE: 6 154 tgagggcatg cacgcacggc ctcggagggg aaccagaaaa ttatgttaac aaaataatct 156 ggaaccctaa tgtatcagtg tcatcatcag tgtgtagttt aagctagctt tgctatggtt 158 acgttctctg agatgagagt cttgatgaac agtgccattc tgatgtattg ctttcttga 160 aagttaatgc atgcttctta tcttctgtct atagctatat gctttcttt tcttttctt	91 15 60 120
137 <210> SEQ ID NO: 5 139 <211> LENGTH: 15 140 <212> TYPE: DNA 141 <213> ORGANISM: Glycine sp. 143 <400> SEQUENCE: 5 144 ctaagaagaa gaacc 147 <210> SEQ ID NO: 6 149 <211> LENGTH: 1123 150 <212> TYPE: DNA 151 <213> ORGANISM: Glycine sp. 153 <400> SEQUENCE: 6 154 tgagggcatg cacgcacggc ctcggagggg aaccagaaaa ttatgttaac aaaataatct 156 ggaaccctaa tgtatcagtg tcatcatcag tgtgtagttt aagctagctt tgctatggtt 158 acgttctctg agatgagagt cttgatgaac agtgccattc tgatgtattg ctttctttat 160 aagttaatgc atgcttctta tcttctgtct atagctatat gctttcttt tcttttctt 162 ttttgttaat cagaacattt gcaacttcac tccttagtat ataatagtta tccatacaaa	91 15 60 120 180
137 <210> SEQ ID NO: 5 139 <211> LENGTH: 15 140 <212> TYPE: DNA 141 <213> ORGANISM: Glycine sp. 143 <400> SEQUENCE: 5 144 ctaagaagaa gaacc 147 <210> SEQ ID NO: 6 149 <211> LENGTH: 1123 150 <212> TYPE: DNA 151 <213> ORGANISM: Glycine sp. 153 <400> SEQUENCE: 6 154 tgagggcatg cacgcacggc ctcggagggg aaccagaaaa ttatgttaac aaaataatct 156 ggaaccctaa tgtatcagtg tcatcatcag tgtgtagttt aagctagctt tgctatggtt 158 acgttetetg agatgagagt cttgatgaac agtgccattc tgatgtattg cttteettga 160 aagttaatgc atgettetta tettetgtet atagetatat getttettt tettttett 162 ttttgttaat cagaacattt gcaacttcac tecttagtat ataatagtta tecatacaaa 164 aagaaatatt atttaaggac atactgaaac ataaatatta cactttttag catccataaa	91 15 60 120 180 240
137 <210> SEQ ID NO: 5 139 <211> LENGTH: 15 140 <212> TYPE: DNA 141 <213> ORGANISM: Glycine sp. 143 <400> SEQUENCE: 5 144 ctaagaagaa gaacc 147 <210> SEQ ID NO: 6 149 <211> LENGTH: 1123 150 <212> TYPE: DNA 151 <213> ORGANISM: Glycine sp. 153 <400> SEQUENCE: 6 154 tgagggcatg cacgcacggc ctcggagggg aaccagaaaa ttatgttaac aaaataatct 156 ggaaccctaa tgtatcagtg tcatcatcag tgtgtagttt aagctagctt tgctatggtt 158 acgttctctg agatgagagt cttgatgaac agtgccattc tgatgattg ctttccttga 160 aagttaatgc atgcttctta tcttctgtct atagctatat gctttcttt tcttttctt 162 ttttgttaat cagaacattt gcaacttcac tccttagtat ataatagtta tccatacaaa 164 aagaaatatt atttaaggac atactgaaac ataaatatta cactttttag catccataaa 166 aaaaaattga acgaggaggg ttaaaaatat attttaaca ttttttaat atattcttg	91 15 60 120 180 240 300
137 <210> SEQ ID NO: 5 139 <211> LENGTH: 15 140 <212> TYPE: DNA 141 <213> ORGANISM: Glycine sp. 143 <400> SEQUENCE: 5 144 ctaagaagaa gaacc 147 <210> SEQ ID NO: 6 149 <211> LENGTH: 1123 150 <212> TYPE: DNA 151 <213> ORGANISM: Glycine sp. 153 <400> SEQUENCE: 6 154 tgagggcatg cacgcacggc ctcggagggg aaccagaaaa ttatgttaac aaaataatct 156 ggaaccctaa tgtatcagtg tcatcatcag tgtgtagttt aagctagctt tgctatggtt 158 acgttctctg agatgagagt cttgatgaac agtgccattc tgatgtattg cttccttga 160 aagttaatgc atgcttctta tcttctgtct atagctatat gctttcttt tcttttctt 162 ttttgttaat cagaacattt gcaacttcac tccttagtat ataatagtta tccatacaaa 164 aagaaatatt atttaaggac atactgaaac ataaatatta cactttttag catccataaa 166 aaaaaattga acgaggaggg ttaaaaatat atttttaaca ttttttaat atattctttg 168 ttattgattg aatttaaaaa aaaatataaa attagctaga gagaaaatta ttaaataaaa	91 15 60 120 180 240 300 360
137 <210> SEQ ID NO: 5 139 <211> LENGTH: 15 140 <212> TYPE: DNA 141 <213> ORGANISM: Glycine sp. 143 <400> SEQUENCE: 5 144 ctaagaagaa gaacc 147 <210> SEQ ID NO: 6 149 <211> LENGTH: 1123 150 <212> TYPE: DNA 151 <213> ORGANISM: Glycine sp. 153 <400> SEQUENCE: 6 154 tgagggcatg cacgcacggc ctcggagggg aaccagaaaa ttatgttaac aaaataatct 156 ggaaccctaa tgtatcagtg tcatcatcag tgtgtagttt aagctagctt tgctatggtt 158 acgttctctg agatgagagt cttgatgaac agtgccattc tgatgattg ctttccttga 160 aagttaatgc atgcttctta tcttctgtct atagctatat gctttcttt tcttttctt 162 ttttgttaat cagaacattt gcaacttcac tccttagtat ataatagtta tccatacaaa 164 aagaaatatt atttaaggac atactgaaac ataaatatta cactttttag catccataaa 166 aaaaaattga acgaggaggg ttaaaaatat attttaaca ttttttaat atattcttg	91 15 60 120 180 240 300 360 420

Input Set : A:\Arc5.ST25.txt

174	cgattcaatg cagcggacaa	gggaaataaa	agaaaatact	atatgtgggt	ttttttacta	660
176	caagaaatat tatctatgtc	tacggacaaa	aaccatcact	agatgttaaa	aatgtgtagg	720
178	taaatataat aaaaattttg	tcctacagac	attgtggtcg	tcaactttga	ggggacgcat	780
180	gtgacaccct ctatccctca	catatatact	aacaaaggaa	taaaaattca	aatattaatt	840
182	aaaagtattt tttttgaaca	tttttaaata	cgggtctttc	aaagggataa	aaggttcaca	900
	atcactttct tctacatcat					960
	aacaaggtcg tttgagactt					1020
188	ctatcagage gttgtgtctc	gacgtctttc	agcacaatat	tccttaaagc	agtttaccta	1080
	gtcatcttgc tccccgaac				_	1123
	<210> SEQ ID NO: 7		_			
195	<211> LENGTH: 632					
196	<212> TYPE: DNA					
197	<213> ORGANISM: Pisum	sp.				
199	<400> SEQUENCE: 7	-				
	gctttcgttc gtatcatcgg	tttcgacaac	gttcgtcaag	ttcaatqcat	cagtttcatt	60
	gcgcacacac cagaatccta					120
	tgtaccattt gttgtgcttg				_	180
	gtgaaatgga aatggatgga		_		_	240
	aattaatatt atttgttttt					300
	tatgcaaaca ttttgttttg			-		360
	taatatgagg agtaaaacac	-	-			420
	atattttcag acctagaaaa		_			480
	ttagacattt atgaactttc		_			540
	ttgctttata attatagtta					600
	tgcattttat gacttgccaa					632
	<210> SEQ ID NO: 8					
	<211> LENGTH: 1259					
	<212> TYPE: DNA					
	<213> ORGANISM: Phase	olus vulgari	is			
		oras targar.				
229	<400> SEQUENCE: 8					
	<400> SEQUENCE: 8	tgtgacagtt	aaaccctgct	tatacctttc	ctcctaataa	60
230	actcccaaaa ccaccttccc		_			60 120
230 232	actcccaaaa ccaccttccc tgttcatctg tcacacaaac	taaaataaat	aaaatgggag	caataaataa	aatgggagct	120
230 232 234	acteccaaaa ceacetteee tgtteatetg teacacaaac catatatta caccatttae	taaaataaat actgtctatt	aaaatgggag attcaccatg	caataaataa ccaattatta	aatgggagct cttcataatt	120 180
230 232 234 236	actcccaaaa ccaccttccc tgttcatctg tcacacaaac catatattta caccatttac ttaaaattat gtcattttta	taaaataaat actgtctatt aaaattgctt	aaaatgggag attcaccatg aatgatggaa	caataaataa ccaattatta aggattatta	aatgggagct cttcataatt taagttaaaa	120 180 240
230 232 234 236 238	actcccaaaa ccaccttccc tgttcatctg tcacacaaac catatatta caccatttac ttaaaattat gtcatttta gtataacata gataaactaa	taaaataaat actgtctatt aaaattgctt ccacaaaaca	aaaatgggag attcaccatg aatgatggaa aatcaatata	caataaataa ccaattatta aggattatta aactaactta	aatgggagct cttcataatt taagttaaaa ctctcccatc	120 180 240 300
230 232 234 236 238 240	actcccaaaa ccaccttccc tgttcatctg tcacacaaac catatatta caccatttac ttaaaattat gtcattttta gtataacata gataaactaa taattttat ttaaatttct	taaaataaat actgtctatt aaaattgctt ccacaaaaca ttacacttct	aaaatgggag attcaccatg aatgatggaa aatcaatata cttccatttc	caataaataa ccaattatta aggattatta aactaactta tattctaca	aatgggagct cttcataatt taagttaaaa ctctcccatc acattattta	120 180 240 300 360
230 232 234 236 238 240 242	actcccaaaa ccaccttccc tgttcatctg tcacacaaac catatatta caccatttac ttaaaattat gtcattttta gtataacata gataaactaa taatttttat ttaaatttct acatttttat tgtattttc	taaaataaat actgtctatt aaaattgctt ccacaaaaca ttacacttct ttactttcta	aaaatgggag attcaccatg aatgatggaa aatcaatata cttccattc actctattca	caataaataa ccaattatta aggattatta aactaactta tatttctaca tttcaaaaaat	aatgggagct cttcataatt taagttaaaa ctctcccatc acattattta caatatatgt	120 180 240 300 360 420
230 232 234 236 238 240 242 244	actcccaaaa ccaccttccc tgttcatctg tcacacaaac catatatta caccatttac ttaaaattat gtcattttta gtataacata gataaactaa taattttat ttaaatttct acatttttat tgtattttc ttatcaccac ctctctaaaa	taaaataaat actgtctatt aaaattgctt ccacaaaaca ttacacttct ttactttcta aaaactttac	aaaatgggag attcaccatg aatgatggaa aatcaatata cttccatttc actctattca aatcattggt	caataaataa ccaattatta aggattatta aactaactta tatttctaca tttcaaaaat ccagaaaagt	aatgggagct cttcataatt taagttaaaa ctctcccatc acattattta caatatatgt taaatcacga	120 180 240 300 360 420 480
230 232 234 236 238 240 242 244 246	actcccaaaa ccaccttccc tgttcatctg tcacacaaac catatatta caccatttac ttaaaattat gtcattttta gtataacata gataaactaa taatttttat ttaaatttct acatttttat tgtattttc ttatcaccac ctctctaaaa gatggtcatt ttagcattaa	taaaataaat actgtctatt aaaattgctt ccacaaaaca ttacacttct ttactttcta aaaactttac aacaacgatt	aaaatgggag attcaccatg aatgatggaa aatcaatata cttccatttc actctattca aatcattggt cttgtatcac	caataataa ccaattatta aggattatta aactaactta tatttctaca tttcaaaaat ccagaaaagt tattttcag	aatgggagct cttcataatt taagttaaaa ctctcccatc acattattta caatatatgt taaatcacga catgtagtcc	120 180 240 300 360 420 480 540
230 232 234 236 238 240 242 244 246 248	actcccaaaa ccaccttccc tgttcatctg tcacacaaac catatatta caccatttac ttaaaattat gtcattttta gtataacata gataaactaa taatttttat ttaaatttct acatttttat tgtattttc ttatcaccac ctctctaaaa gatggtcatt ttagcattaa attctcttca aacaaagaca	taaaataaat actgtctatt aaaattgctt ccacaaaaca ttacacttct ttactttcta aaaactttac aacaacgatt gcggctatat	aaaatgggag attcaccatg aatgatggaa aatcaatata cttccatttc actctattca aatcattggt cttgtatcac aatcgttgtg	caataaataa ccaattatta aggattatta aactaactta tatttctaca tttcaaaaat ccagaaaagt tattttcag ttatattcag	aatgggagct cttcataatt taagttaaaa ctctcccatc acattattta caatatatgt taaatcacga catgtagtcc tctaaaacaa	120 180 240 300 360 420 480 540
230 232 234 236 238 240 242 244 246 248 250	actcccaaaa ccaccttccc tgttcatctg tcacacaaac catatatta caccatttac ttaaaattat gtcatttta gtataacata gataactaa ttatttat ttaaatttct acattttat tgtattttc ttatcaccac ctctctaaaa gatggtcatt ttagcattaa attctctca aaaagaca ttgttatggt aaaagtcgtc	taaaataaat actgtctatt aaaattgctt ccacaaaaca ttacacttct ttactttcta aaaactttac aacaacgatt gcggctatat attttacgcc	aaaatgggag attcaccatg aatgatggaa aatcaatata cttccatttc actctattca aatcattggt cttgtatcac aatcgttgtg ttttaaaaag	caataaataa ccaattatta aggattatta aactaactta tattctaca tttcaaaaat ccagaaaagt tattttcag ttatattcag atataaaatg	aatgggagct cttcataatt taagttaaaa ctctcccatc acattattta caatatatgt taaatcacga catgtagtcc tctaaaacaa acaattatgg	120 180 240 300 360 420 480 540 600
230 232 234 236 238 240 242 244 246 248 250 252	actcccaaaa ccaccttccc tgttcatctg tcacacaaac catatatta caccatttac ttaaaattat gtcatttta gtataacata gataaactaa ttatttat ttaaatttct acattttat tgtattttc ttatcaccac ctctctaaaa gatggtcatt ttagcattaa attctctca aacaagaca ttgttatggt acatgttaga	taaaataaat actgtctatt aaaattgctt ccacaaaaca ttacacttct ttactttcta aaaactttac aacaacgatt gcggctatat attttacgcc tcctccttaa	aaaatgggag attcaccatg aatgatggaa aatcaatata cttccatttc actctattca aatcattggt cttgtatcac aatcgttgtg ttttaaaag agatataaaa	caataaataa ccaattatta aggattatta aactaactta tattctaca tttcaaaaat ccagaaaagt tattttcag ttatattcag atataaaatg tgacagtttt	aatgggagct cttcataatt taagttaaaa ctctcccatc acattattta caatatatgt taaatcacga catgtagtcc tctaaaacaa acaattatgg gataaaaagt	120 180 240 300 360 420 480 540 600 660 720
230 232 234 236 238 240 242 244 246 248 250 252 254	actcccaaaa ccaccttccc tgttcatctg tcacacaaac catatatta caccatttac ttaaaattat gtaatattat gtataacata taattttat ttaaaatttct acattttat tgtattttc ttatcaccac ctctctaaaa gatggtcatt ttagcattaa attctctca aacaagaca ttgttatggt aaaagtcgtc ttaaaagtca tcatgttaga ggtcattta tacccttg	taaaataaat actgtctatt aaaattgctt ccacaaaaca ttacacttct ttactttcta aaaactttac aacaacgatt gcggctatat attttacgcc tcctccttaa aaagatataa	aaaatgggag attcaccatg aatgatggaa aatcaatata cttccatttc actctattca aatcattggt cttgtatcac aatcgttgtg tttttaaaag agatataaaa aacgacggtt	caataaataa ccaattatta aggattatta tattctaca tttcaaaaat ccagaaaagt tattttcag ttatattcag atataaaatg tgacagttt atggtaaaag	aatgggagct cttcataatt taagttaaaa ctctcccatc acattatta caatatatgt taaatcacga catgtagtcc tctaaaacaa acaattatgg gataaaaagt ctgccattt	120 180 240 300 360 420 480 540 600 660 720 780
230 232 234 236 240 242 244 246 248 250 252 254 256	actcccaaaa ccaccttccc tgttcatctg tcacacaaac catatatta caccatttac ttaaaattat gtaatactaa taattttat ttaaaattct acattttat tgtattttc ttatcaccac ctctctaaaa gatggtcatt ttagcattaa attctctca aacaagaca ttgttatggt aaaagtcgtc ttaaaagtca tcatgttaga ggtcattta tacgctcttg aaatgaaata tttttgttt	taaaataaat actgtctatt aaaattgctt ccacaaaaca ttacacttct ttactttcta aaaactttac aacaacgatt gcggctatat attttacgcc tcctccttaa aaagatataa agttcattt	aaaatgggag attcaccatg aatgatggaa aatcaatata cttccatttc actctattca aatcattggt cttgtatcac aatcgttgtg tttttaaaag agatataaaa aacgacggtt gtttaatgct	caataaataa ccaattatta aggattatta tattctaca tttcaaaaat ccagaaaagt tattttcag ttatattcag atataaaatg tgacagttt atggtaaaag aatcccattt	aatgggagct cttcataatt taagttaaaa ctctcccatc acattatta caatatatgt taaatcacga catgtagtcc tctaaaacaa acaattatgg gataaaaagt ctgccattt aaattgact	120 180 240 300 360 420 480 540 600 660 720 780 840
230 232 234 236 240 242 244 246 248 250 252 254 256 258	actcccaaaa ccaccttccc tgttcatctg tcacacaaac catatatta caccatttac ttaaaattat gtaatattat gtataacata taattttat ttaaaatttct acattttat tgtattttc ttatcaccac ctctctaaaa gatggtcatt ttagcattaa attctctca aacaagaca ttgttatggt aaaagtcgtc ttaaaagtca tcatgttaga ggtcattta tacgctcttg aaatgaaata tttttgttt gtacaattaa aactcaccca	taaaataaat actgtctatt aaaattgctt ccacaaaaca ttacacttct ttactttcta aaaactttac aacaacgatt gcggctatat attttacgcc tcctccttaa aaagatataa agttcattt cccagataca	aaaatgggag attcaccatg aatgatggaa aatcaatata cttccatttc actctattca aatcattggt cttgtatcac aatcgttgtg tttttaaaag agatataaaa aacgacggtt gtttaatgct atataaacta	caataaataa ccaattata aggattatta tattctaca tttcaaaaat ccagaaaagt tattttcag ttatattcag atataaaatg tgacagttt atggtaaaag aatcccattt acttactc	aatgggagct cttcataatt taagttaaaa ctctcccatc acattatta caatatatgt taaatcacga catgtagtcc tctaaaacaa acaattatgg gataaaaagt ctgccattt aaattgact acagctaagt	120 180 240 300 360 420 480 540 600 660 720 780 840 900
230 232 234 236 240 242 244 246 250 252 254 256 258 260	actcccaaaa ccaccttccc tgttcatctg tcacacaaac catatatta caccatttac ttaaaattat gtcatttta gtataacata taattttat ttaaatttct acattttat tgtattttc ttacaccac ctctctaaaa gatggtcatt ttagcattaa attctctca aacaagaca ttgttatggt aaaagtcgtc ttaaaagtca tcatgttag ggtcattta tacgctcttg aaatgaaata tttttgttt gtacaattaa attctctaca tttttgttt gtacaattaa tttcttaca tttttaca tttttaca tttttaca tttttaca	taaaataaat actgtctatt aaaattgctt ccacaaaaca ttacacttct ttactttcta aaaactttac aacaacgatt gcggctatat attttacgcc tcctccttaa aaagatataa agttcattt cccagataca cttctttcc	aaaatgggag attcaccatg aatgatggaa aatcaatata cttccattca actctattca aatcattggt cttgtatcac aatcgttgtg ttttaaaag agatataaaa aacgacggtt gtttaatgct atataaacta attctattt	caataaataa ccaattata aggattatta aactaactta ttcaaaaat ccagaaaagt tattttcag ttatattcag atataaaatg tgacagttt atggtaaaag aatcccattt acttactcc ctatgacatt	aatgggagct cttcataatt taagttaaaa ctctcccatc acattatta caatatatgt taaatcacga catgtagtcc tctaaaacaa acaattatgg gataaaaagt ctgccattt aaattgactt acagctaagt actacacat	120 180 240 300 360 420 480 540 600 660 720 780 840 900 960
230 232 234 236 240 242 244 246 250 252 254 256 258 260 262	actcccaaaa ccaccttccc tgttcatctg tcacacaaac catatatta caccatttac ttaaaattat gtcatttta gtataacata gataaactaa taattttat ttaaatttct acattttat tgtattttc ttatcaccac ctctctaaaa gatggtcatt ttagcattaa attctctca aacaaagaca ttgttatggt aaaagtcgtc ttaaaagtca tcatgttaga ggtcatttta tacgctcttg aaatgaaata tttttgttt gtacaattaa aactcaccca tttattaaa tttctttaca ttctcgtaa ttttttct	taaaataaat actgtctatt aaaattgctt ccacaaaaca ttacacttct ttactttcta aaaactttac acaacgatt gcggctatat attttacgcc tcctccttaa aaagatataa agttcatttt cccagataca cttctttcc tattttcca	aaaatgggag attcaccatg aatgatggaa aatcaatata cttccattc actctattca aatcattggt cttgtatcac aatcgttgtg ttttaaaag agatataaaa aacgacggtt gtttaatgct atataaacta attctattt ctctatccat	caataaataa ccaattatta aggattatta tattctaca tttcaaaaat ccagaaaagt tattttcag ttatattcag atataaaatg tgacagttt atggtaaaag aatcccattt acttactcc ctatgacatt ttcaaatcga	aatgggagct cttcataatt taagttaaaa ctctcccatc acattatta caatatatgt taaatcacga catgtagtcc tctaaaacaa acaattatgg gataaaaagt ctgccattt aaattgactt acagctaagt aactaacat tatatgtta	120 180 240 300 360 420 480 540 600 660 720 780 840 900 960 1020
230 232 234 236 240 242 244 246 250 252 254 256 258 260 262 264	actcccaaaa ccaccttccc tgttcatctg tcacacaaac catatatta caccatttac ttaaaattat gtcatttta gtataacata taattttat ttaaatttct acattttat tgtattttc ttacaccac ctctctaaaa gatggtcatt ttagcattaa attctctca aacaagaca ttgttatggt aaaagtcgtc ttaaaagtca tcatgttag ggtcattta tacgctcttg aaatgaaata tttttgttt gtacaattaa attctctaca tttttgttt gtacaattaa tttcttaca tttttaca tttttaca tttttaca tttttaca	taaaataaat actgtctatt aaaattgctt ccacaaaaca ttacacttct ttactttcta aaaactttac aacaacgatt gcggctatat attttacgcc tcctccttaa aaagatataa agttcatttt cccagataca cttctttcc tatttctaa aaatttacaa	aaaatgggag attcaccatg aatgatggaa aatcaatata cttccattca actctattca aatcattggt cttgtatcac aatcgttgtg ttttaaaag agatataaaa aacgacggtt gtttaatgct atataacta attctattt ctctatccat	caataaataa ccaattatta aggattatta aactaactta ttcaaaaat ccagaaaagt tattttcag ttatattcag atataaaatg tgacagttt atggtaaaag aatcccattt acttactc ctatgacatt ttcaaatcga aaaaaagcta	aatgggagct cttcataatt taagttaaaa ctctcccatc acattatta caatatatgt taaatcacga catgtagtcc tctaaaacaa acaattatgg gataaaaagt ctgccattt aaattgactt acagctaagt aactaacat tatatgtta aatcatgacc	120 180 240 300 360 420 480 540 600 660 720 780 840 900 960

Input Set : A:\Arc5.ST25.txt

268	ttttcaagca aagacaacag	ctatataatc	atcgtgttat	attcagtcta	aaacaacagt	1200
270	aatgataaaa gtcatcattt	taggcctttc	tgaaatatat	agaacgacat	tcatggtaa	1259
273	<210> SEQ ID NO: 9					
275	<211> LENGTH: 322					
276	<212> TYPE: DNA					
277	<213> ORGANISM: Phase	olus vulgar:	is			
279	<400> SEQUENCE: 9					
280	attgtttcac ctacaatgat	aatatattaa	aaagtgaact	ttaaattaat	ttacaagtta	60
282	aattaattca gcttgtctcc	ttgatgttta	tgctcttttc	ggaattaatt	aagttttagt	120
284	tgtaattgta ataattagtc	acgagtgtgt	atcctcaccc	ctcacaaaca	acatttcaag	180
286	aaaaataaaa ttttataaaa	agggaaaatc	aaattagaat	ttcgttgttt	gttaattgtt	240
288	aattttatat tattatttct	ccctcaaata	atattataaa	agataatgat	tcgattttga	300
290	ttttgcattt gttgttgtat	aa				322
293	<210> SEQ ID NO: 10					
295	<211> LENGTH: 316					
296	<212> TYPE: DNA					
297	<213> ORGANISM: Phase	olus vulgar:	is			
299	<400> SEQUENCE: 10					
300	attgtttcac ctacaatgat	aatatattaa	aaagtgaact	ttaaattaat	ttacaagtta	60
302	aattaattca gcttgtctcc	ttgatgttta	tgctcttttc	ggaattaatt	aagttttagt	120
304	tgtaattgta ataattagtc	acgagtgtgt	atcctcaccc	ctcacaaaca	acatttcaag	180
306	aaaaataaaa ttttataaaa	agggaaaatc	aaattagaat	ttcgttgttt	gttaattgtt	240
308	aattttatat tattatttct	ccctcaaata	atattataaa	agataatgat	tcgattttgc	300
310	atttgttgtt gtataa					316
313	<210> SEQ ID NO: 11					
315	<211> LENGTH: 288					
316	<212> TYPE: DNA					
317	<213> ORGANISM: Phase	olus vulgar:	is			
319	<400> SEQUENCE: 11					
320	attttttca catacaatta	tgataatata	ttaaaaagtg	aactttaaat	taatttacaa	60
322	tatatagatt cagttaaatc	aattcagctt	gtctccttga	tgtttctgta	ataactagtc	120
324	atgagcacca ctcagagaca	agatttcaag	aaaaatatat	aatatataca	attaaataaa	180
326	aaagggaaaa tcaaattaga	atttcgttgt	ttaataattg	ttaatttgga	gttgaataat	240
328	aaaatgaaag aaaaaagttg	gaaagatttt	gcatttgttg	ttgtataa		288
331	<210> SEQ ID NO: 12					
332	<211> LENGTH: 1872					
333	<212> TYPE: DNA					
334	<213> ORGANISM: Phase	olus vulgar:	is			
336	<400> SEQUENCE: 12					
	ctgcagtcct acataattct	-	-			60
339	atatctagta tctcatacga	ataaatatat	attgtttcac	ctacaatgat	aatatattaa	120
341	aaagtgaact ttaaatgtaa	tttaatctca	taaaatcgac	ttataaaatg	agatttatac	180
343	ctacgatcga taaaaataac	tttaatatca	tattaagaaa	taaactttaa	acctaactca	240
345	attttataaa accaatttat	aaaataaaat	ttacactcac	ttatatatta	taaaataaaa	300
	tagtttttag gtgacgtgaa		-	_	_	360
349	attatagaaa ctaaaaacat	gccaaataat	ttacaagtta	aattaattca	gcttgtctcc	420
351		++><->	attcacattt	acacttcatc	teteateata	480
	ttgactaata aaacacaact	-	-		_	
	tccctcaaag tgaatttcat	tcatggcacc	atttatataa	tcaacaattt	taaaaagatg	540
	_	tcatggcacc	atttatataa	tcaacaattt	taaaaagatg	

Input Set : A:\Arc5.ST25.txt

357	atatttttt	${\tt cttattaaat}$	aaagaaattc	attgtaagag	aaattaggat	ccttcaatag	660
359	aaaatgtgtt	atttcctcat	caccaggaaa	aaaaggacaa	cagttaacac	aacaaattta	720
361	tgtttcattt	gagattaagg	aaggtaagga	agaaaaaaga	ttaaaaaaaa	tgtccttatc	780
363	tctttgttta	tgctcttttc	ggaattaatt	aagttttagt	tgtaattgta	ataataatat	840
365	aagagactta	aacttttaat	ataataatta	taattaggtt	ttttttagtc	acgagtgtgt	900
367	atcctcaccc	ctcacaaaca	acatttcaag	aaaacaattt	tgttaaacat	cttattagaa	960
369	acttttagca	aagtcttgaa	gttagaatta	aacaaaaaat	ttacacacac	gaggaacaca	1020
371	ataaacctac	tatcgtcagg	ttatcataag	gatgaaatgt	tttgatacca	ttaaatataa	1080
373	cacacacaaa	aatacatgta	attataacaa	tacatgttat	acatatttt	gaaaaaactt	1140
375	aaagtttttc	aaaacattct	taatacatga	ttagagctta	tagaaataca	aatatttaaa	1200
377	aaatataact	ttaaaaaaac	atcttaaagt	cctcatatcc	tctcacaccg	gtgaaatcat	1260
379	ttactcgtag	tatagtaccg	tgtcataata	gttcacaaca	cagtaaaaag	aataagaata	1320
381	aactagtgaa	tataaaattt	tataaaaagg	gaaaatcaaa	ttagaatttt	tgattcccca	1380
383	cataacacaa	ctcaccatgc	acgctgccac	ctcagctccc	tcctctccac	acatgtctca	1440
385	tgtcactttc	gactttggct	ttttcactag	gagacaactc	gccatgcacg	ctgccacgtc	1500
387	agctccttcc	tcttcccatg	atgacaccac	tgggcatgca	tgatgccacc	tcagctccca	1560
389	cctcttctca	ttatgagcct	actggccatg	cacactgcca	cctcagcact	cctctcactt	1620
391	cccattgcta	cctgccaaac	cgcttctctc	tataaatatc	tctttaaatt	taaactaatt	1680
393	atttcatata	cttttttgat	gacgtggatg	cattgccatc	gttgtttgtt	aattgttaat	1740
395	tttatattat	tatttctccc	tcaaataata	ttataaaaga	taatgattcg	attttgattt	1800
397	tgcatttgtt	gttgtataaa	tagagaagag	agtgatggtt	aatgcatgaa	tgcatgatca	1860
399	gatctgccat	gg					1872
402	<210> SEQ I	ID NO: 13					
404	<211> LENGT	TH: 1866					
405	<212> TYPE:	DNA					
406	<213> ORGAN	NISM: Phased	olus vulgari	s			
408	<400> SEQUE	ENCE: 13					
	ctgcagtcct		_	_			60
	atatctagtg						120
	aaagtgaact	_		_	-	-	180
	ctacgatcga			_			240
	attttataaa						300
	tagtttttag			-	_	-	360
	attatagaaa		-	_		-	420
	ttgactaata		_	=		_	480
	tccctcaaag	-					540
	caaatttgta				acacacaaaa		600
429	~+~++++++						660
					aaattaggat		
	aaaatgtgtt	atttcctcat	caccaggaaa	aaaaggacaa	cagttaacac	aacaaattta	720
433	aaaatgtgtt tgtttcattt	atttcctcat gagattaagg	caccaggaaa aaggtaagga	aaaaggacaa agaaaaaaga	cagttaacac ttaaaaaaaa	aacaaattta tgtccttatc	720 780
433 435	aaaatgtgtt tgtttcattt tctttgttta	atttcctcat gagattaagg tgctctttc	caccaggaaa aaggtaagga ggaattaatt	aaaaggacaa agaaaaaaga aagttttagt	cagttaacac ttaaaaaaaa tgtaattgta	aacaaattta tgtccttatc ataataatat	720 780 840
433 435	aaaatgtgtt tgtttcattt	atttcctcat gagattaagg tgctctttc	caccaggaaa aaggtaagga ggaattaatt	aaaaggacaa agaaaaaaga aagttttagt	cagttaacac ttaaaaaaaa tgtaattgta	aacaaattta tgtccttatc ataataatat	720 780
433 435 437 439	aaaatgtgtt tgtttcattt tctttgttta aagagactta atcctcaccc	atttcctcat gagattaagg tgctctttc aacttttaat ctcacaaaca	caccaggaaa aaggtaagga ggaattaatt ataataatta acatttcaag	aaaaggacaa agaaaaaaga aagttttagt taattaggtt aaaacaattt	cagttaacac ttaaaaaaaa tgtaattgta ttttttagtc tgttaaacat	aacaaattta tgtccttatc ataataatat acgagtgtgt cttattagaa	720 780 840 900 960
433 435 437 439 441	aaaatgtgtt tgtttcattt tctttgttta aagagactta atcctcaccc acttttagca	atttcctcat gagattaagg tgctctttc aacttttaat ctcacaaaca aagtcttgaa	caccaggaaa aaggtaagga ggaattaatt ataataatta acatttcaag gttagaatta	aaaaggacaa agaaaaaaga aagttttagt taattaggtt aaaacaattt aacaaaaaat	cagttaacac ttaaaaaaaa tgtaattgta ttttttagtc tgttaaacat ttacacacac	aacaaattta tgtccttatc ataataatat acgagtgtgt cttattagaa gaggaacaca	720 780 840 900 960 1020
433 435 437 439 441 443	aaaatgtgtt tgtttcattt tctttgttta aagagactta atcctcaccc acttttagca ataaacctac	atttcctcat gagattaagg tgctcttttc aacttttaat ctcacaaaca aagtcttgaa tatcgtcagg	caccaggaaa aaggtaagga ggaattaatt ataataatta acatttcaag gttagaatta ttatcataag	aaaaggacaa agaaaaaaga aagttttagt taattaggtt aaaacaattt aacaaaaaat gatgaaatgt	cagttaacac ttaaaaaaaa tgtaattgta ttttttagtc tgttaaacat ttacacacac tttgatacca	aacaaattta tgtccttatc ataataatat acgagtgtgt cttattagaa gaggaacaca ttaaatataa	720 780 840 900 960 1020 1080
433 435 437 439 441 443	aaaatgtgtt tgtttcattt tctttgttta aagagactta atcctcaccc acttttagca ataaacctac cacacacaaa	atttcctcat gagattaagg tgctcttttc aacttttaat ctcacaaaca aagtcttgaa tatcgtcagg aatacatgta	caccaggaaa aaggtaagga ggaattaatt ataataatta acatttcaag gttagaatta ttatcataag attataacaa	aaaaggacaa agaaaaaaga aagttttagt taattaggtt aaaacaattt aacaaaaaat gatgaaatgt tacatgttat	cagttaacac ttaaaaaaaa tgtaattgta ttttttagtc tgttaaacat ttacacacac tttgatacca acatatttt	aacaaatta tgtccttatc ataataatat acgagtgtgt cttattagaa gaggaacaca ttaaatataa gaaaaaactt	720 780 840 900 960 1020 1080 1140
433 435 437 439 441 443 445	aaaatgtgtt tgtttcattt tctttgttta aagagactta atcctcaccc acttttagca ataaacctac cacacacaaa aagttttc	atttcctcat gagattaagg tgctcttttc aacttttaat ctcacaaaca aagtcttgaa tatcgtcagg aatacatgta aaaacattct	caccaggaaa aaggtaagga ggaattaatt ataataatta acatttcaag gttagaatta ttatcataag attataacaa taatacatga	aaaaggacaa agaaaaaaga aagttttagt taattaggtt aaaacaattt aacaaaaaat gatgaaatgt tacatgttat ttagagctta	cagttaacac ttaaaaaaaa tgtaattgta ttttttagtc tgttaaacat ttacacacac tttgatacca acatatttt tagaaataca	aacaaatta tgtccttatc ataataatat acgagtgtgt cttattagaa gaggaacaca ttaaatataa gaaaaaactt aatattaaa	720 780 840 900 960 1020 1080 1140 1200
433 435 437 439 441 443 445 447 449	aaaatgtgtt tgtttcattt tctttgttta aagagactta atcctcaccc acttttagca ataaacctac cacacacaaa aaagttttc aaatataact	atttcctcat gagattaagg tgctctttc aacttttaat ctcacaaaca aagtcttgaa tatcgtcagg aatacatgta aaaacattct ttaaaaaaaac	caccaggaaa aaggtaagga ggaattaatt ataataatta acatttcaag gttagaatta ttatcataag attataacaa taatacatga atcttaaagt	aaaaggacaa agaaaaaaga aagttttagt taattaggtt aaaacaattt aacaaaaaat gatgaaatgt tacatgttat ttagagctta cctcatatcc	cagttaacac ttaaaaaaaa tgtaattgta ttttttagtc tgttaaacat ttacacacac tttgatacca acatatttt tagaaataca tctcacaccg	aacaaatta tgtccttatc ataataatat acgagtgtgt cttattagaa gaggaacaca ttaaatataa gaaaaaactt aatattaaa gtgaaatcat	720 780 840 900 960 1020 1080 1140 1200 1260
433 435 437 439 441 443 445 447 449	aaaatgtgtt tgtttcattt tctttgttta aagagactta atcctcaccc acttttagca ataaacctac cacacacaaa aagttttc	atttcctcat gagattaagg tgctctttc aacttttaat ctcacaaaca aagtcttgaa tatcgtcagg aatacatgta aaaacattct ttaaaaaaaac	caccaggaaa aaggtaagga ggaattaatt ataataatta acatttcaag gttagaatta ttatcataag attataacaa taatacatga atcttaaagt	aaaaggacaa agaaaaaaga aagttttagt taattaggtt aaaacaattt aacaaaaaat gatgaaatgt tacatgttat ttagagctta cctcatatcc	cagttaacac ttaaaaaaaa tgtaattgta ttttttagtc tgttaaacat ttacacacac tttgatacca acatatttt tagaaataca tctcacaccg	aacaaatta tgtccttatc ataataatat acgagtgtgt cttattagaa gaggaacaca ttaaatataa gaaaaaactt aatattaaa gtgaaatcat	720 780 840 900 960 1020 1080 1140 1200

VERIFICATION SUMMARY

DATE: 12/31/2001 PATENT APPLICATION: US/10/015,637 TIME: 12:50:08

Input Set : A:\Arc5.ST25.txt

Output Set: N:\CRF3\12312001\J015637.raw

L:12 M:270 C: Current Application Number differs, Replaced Current Application No

L:12 M:271 C: Current Filing Date differs, Replaced Current Filing Date